

研究報告書

平成30年度：A課題

令和2年4月10日

公益財団法人 がん研究振興財団

理事長 堀田知光 殿

研究施設 千葉大学大学院薬学研究院

住 所 千葉県千葉市中央区亥鼻1-8-1

研究者氏名 山口憲孝



(研究課題)

新規EMT誘導因子VGLL3の癌悪性化における役割解析

平成31年2月5日付助成金交付のあった標記A課題について研究が終了致しましたのでご報告いたします。

【研究の背景】

上皮間葉転換 (Epithelial-mesenchymal transition, EMT) は、上皮細胞が接着や極性を失つて間葉細胞様に変化する現象であり、癌細胞の転移浸潤能や薬剤耐性の獲得に深く関わっている。従ってEMTは癌悪性化の重要な原因の1つであり、その分子機構の解明は癌治療薬の開発に役立つと考えられる。

Transforming growth factor- β (TGF- β)は、転写因子Smadの活性化を介してEMTを誘導するサイトカインである。これまでに、我々は、TGF- β によるEMT誘導の分子機構の解明を目的に、TGF- β 刺激下における遺伝子発現のデータベースを解析し、TGF- β 刺激によって発現誘導される機能未解明の遺伝子を約10種特定した。これらを上皮様ヒト肺癌細胞株A549に安定発現したところ、これらの1つであるVestigial-like family member 3 (VGLL3)を安定発現する細胞では、無刺激下においても間葉細胞の特徴である紡錘状の形態変化と細胞の運動性の上昇が観察された。さらに、上皮マーカーE-cadherinの低下と間葉マーカーのSNAI1、SLUGの上昇も認められ、VGLL3の安定発現にてEMTが誘導されることがわかった。また、内在性VGLL3の発現をRNAiによって抑制すると、TGF- β 刺激によるEMTが抑制されることもわかった。これらのことから、VGLL3がTGF- β によって発現誘導されEMTを促進する新規機能分子であることが明らかとなった。

癌悪性化とVGLL3との関連を調べるために、ヒト癌細胞株の遺伝子発現データベースを解析したところ、間葉系の大腸癌細胞株LoVoや乳癌細胞株BT549においてVGLL3が高発現しており、このVGLL3をノックダウンすると上皮細胞様に性質が変化して運動性の低下やE-cadherinの回復が認められた。また、ヒト癌患者予後のデータベース(PROGgeneV2)

を解析したところ、大腸癌や乳癌においてVGLL3高発現の患者は有意に予後が不良であることもわかった。これらの結果から、VGLL3がEMTを誘導して癌悪性化を促進することが明らかとなった。

【結果・考察】

VGLL3は、ショウジョウバエにおいて翅の形成に関わる転写共役因子Vestigialのオルソログであるが、ヒトやマウスなど哺乳細胞における機能はほとんどわかつていなかった。そこで本研究では、VGLL3の分子機能の解明を進めた。ショウジョウバエのVestigialは、転写因子TEA domain transcription factor(TEAD)の転写共役因子であるため、まず、VGLL3がTEADに結合するかどうかを免疫沈降により解析した。その結果、確かにVGLL3はTEADと結合することがわかった。次に、VGLL3によるEMT誘導にTEADが関与するかどうかを確認するために、VGLL3安定発現株におけるTEADの発現をRNAiによって抑制した。その結果、VGLL3安定発現株におけるE-cadherin低下が回復し、運動性の低下も認められた。このことから、VGLL3はTEADに結合し、TEADの活性化を介してEMTを誘導することがわかった。

次に、EMT誘導に関わるVGLL3-TEADの標的遺伝子を特定するために、RNA-seqによりVGLL3安定発現株における遺伝子発現を解析した。その結果、幹細胞因子High-mobility AT-hook 2(HMGA2)の発現が上昇していることがわかり、HMGA2に着目して解析を進めた。VGLL3安定発現株においてTEADをノックダウンするとHMGA2の発現が低下し、さらにHMGA2をノックダウンするとE-cadherinの回復や運動性の低下が認められた。また、内在性にVGLL3が高発現する癌細胞株においても、TEADのノックダウンによるHMGA2の発現低下と、HMGA2ノックダウンによるE-cadherinの回復や運動性の低下が観察された。これらのことから、VGLL3は、TEADの転写共役因子としてはたらき、HMGA2の発現を誘導してEMTを促進することが明らかとなった（論文準備中）。

TEADの転写共役因子としてはYAP/TAZが広く知られており、YAP/TAZの結合により活性化したTEADは細胞増殖や組織成長を促進する。YAP/TAZはHippoシグナル伝達系によって抑制されており、Hippoシグナル伝達系の破綻はYAP/TAZの異常活性化を導き発癌に寄与することが知られている。我々は、TEADの転写共役因子として機能するVGLL3について、YAP/TAZやHippoシグナル伝達系との関連を解析した。その結果、VGLL3安定株ではHippo経路が活性化しYAP/TAZが抑制されていることがわかった。さらに、レポーター解析によってYAP/TAZ-TEADとVGLL3-TEADが類似したDNA配列を認識するのかについて調べたところ、YAP/TAZ-TEADとVGLL3-TEADは異なった配列に結合することがわかった。これらのことから、VGLL3は、YAP/TAZと競合的にTEADに結合し、がん抑制経路として知られるHippo経路の活性化を伴って癌悪性化を促進する機能を持つと考えられる（論文投稿中）。

【論文】

Vestigial-like family member 3 (VGLL3), a cofactor for TEAD transcription factor, promotes cell proliferation through Hippo pathway activation. (In revision)

Hori N., Okada K., Takakura Y., Takano H., Yamaguchi N., and Yamaguchi N.*

【学会発表】

上皮間葉転換誘導因子による炎症反応とその役割

第93回日本薬理学会年会(2020.3.16-18)

山口憲孝, 山口直人, 高野博之

The transcriptional cofactor VGLL3 promotes epithelial-to-mesenchymal transition in tumor cells.

The 2019 ASCB/EMBO Meeting (2019.12.7-11)

Yamaguchi N., Takano H., and Yamaguchi N.